# การเตรียมข้อมูล

## **คำอธิบายข้อมูล**

ข้อมูลไฟล์ wdbc.data เป็นข้อมูล Wisconsin Diagnostic Breast Cancer จาก UCI Machine learning Repository) โดยที่ data set นี้ มี 2 classes และ 30 features ซึ่งในแต่ละ sample จะมีทั้งหมด 32 ค่า

โดยผู้จัดทำได้ทำการเตรียมข้อมูลเนื่องจากข้อมูลอินพุตจะประกอบไปด้วย 30 features โดยผู้จัดทำได้ทำการ Min-max normalization ให้อยู่ในช่วง (0,1] และเนื่องจากข้อมูลแบ่งเป็น 2 classes คือ M และ B ซึ่งผู้จัดทำได้ทำการเอาต์พุตของระบบให้อยู่รูปแบบตัวเลขจำนวนเต็ม โดยให้ M มีค่าคือ 1 และ B มีค่าคือ 0

# กระบวนการทำงานขั้นตอนวิธีเชิงพันธุกรรม

## **ภาพรวมของระบบ**

# การทดลอง

# สรุปผลการทดลอง

# โปรแกรม